

葛宇



姓名：葛宇

职称：副研究员

导师：硕士生导师

专业：农学

邮箱：geyu@ynau.edu.cn

■ 教育和工作经历

- ◆ 2022-03 至今, 云南农业大学热带作物学院, 副研究员
- ◆ 2020-01 至 2021-11, 中国热带农业科学院海口实验站, 副研究员
- ◆ 2014-03 至 2019-12, 中国热带农业科学院海口实验站, 助理研究员
- ◆ 2011-09 至 2014-03, 东北农业大学园艺学院, 助理研究员
- ◆ 2008-09 至 2011-06, 沈阳农业大学, 蔬菜学, 博士
- ◆ 2005-09 至 2008-06, 沈阳农业大学, 蔬菜学 硕士
- ◆ 2001-09 至 2005-06, 沈阳农业大学, 生物技术, 学士

■ 研究方向

- ◆ 热带亚热带木本经济作物分子育种与品质遗传改良；热带亚热带作物与微生物互作

■ 奖励与荣誉

- ◆ 2022 年云南省“兴滇英才支持计划”青年人才。
- ◆ 2021 年中国热带农业科学院科技创新奖。
- ◆ 2019 年度中国热带农业科学院“先进个人”。
- ◆ Scientia Horticulturae、Horticulturae 等杂志审稿人。
- ◆ 国家自然科学基金函评评议专家。

■ 科研项目

- ◆ 云南省基础研究计划面上项目，202301AT070493，小粒咖啡种子转录因子CaWRI1调控脂肪酸合成的分子机制解析，2023/06-2026/05，10万元，在研，主持
- ◆ 国家自然科学基金地区科学基金项目，32260735，PaRAP2.4-2调控油梨果肉脂肪酸合成的机制解析，2023/01-2026/12，33万元，在研，主持
- ◆ 云南农业大学高层次人才启动经费项目，阿拉比卡咖啡脂肪酸合成的分子机制，2022/01-2024/12，30万元，在研，主持
- ◆ 海南省自然科学基金高层次人才项目，320RC683，油梨果肉脂肪酸合成相关转录因子PaRAP2.1下游靶标基因鉴定，2021/01-2023/12，7万元，在研，主持
- ◆ 海南省自然科学基金高层次人才项目，2019RC264，基于多组学联合分析策略探究油梨果肉含油量与主要代谢物关联性及其分子机制，2020/01-2021/12，10万元，已结题，主持
- ◆ 国家自然科学基金青年科学基金项目，31701883，油梨果肉转录因子WRI1-like 对酰基载体蛋白基因 ACP4 的转录调控机制研究，2018-01 至 2020-12，23 万元，已结题，主持
- ◆ 中央级公益性科研院所基本科研业务费专项（基础与高新），1630092018003，油梨果实油脂积累过程中的转录组和代谢组研究，2018/01-2019/12，25 万元，已结题，主持
- ◆ 中央级公益性科研院所基本科研业务费专项，1630032017091，海南油梨种质资源收集评价及品种筛选，2017/01-2017/12，10 万元，已结题，主持

◆海南省自然科学基金面上项目，20163096，基于脂肪酸指纹图谱的油梨品质相关研究，2016/01-2017/12，8万元，已结题，主持

◆黑龙江省教育厅科技项目，12531043，南瓜性别表达相关基因转录组分析，2013-01至2014-12，1.5万元，已结题，主持

■ 教改项目

无

■ 代表性论文

◆Ding ZL[†], Ge Y[†], Gowd SC, Singh E, Kumar V, Chaurasia D, Kumar V, Rajendran K, Bhargava PC, Wu PC, Lin F, Harirchi S, Kumar VA, Sirohi R, Sindhu R, Binod P, Taherzadeh MJ, Awasthi MK*. Production of biochar from tropical fruit tree residues and ecofriendly applications -A review. *Bioresource Technology*, 2023, 376, 128903. (共同第一作者)

◆Ding ZL[†], Ge Y[†], Sar T, Kumar V, Harirchi S, Binod P, Sirohi R, Sindhu R, Wu PC, Lin F, Zhang ZQ, Taherzadeh MJ, Awasthi MK*. Valorization of tropical fruits waste for production of commercial biorefinery products-A review. *Bioresource Technology*, 2023, 374, 128793. (共同第一作者)

◆Wang BT, Chen HM, Qu P, Lin R, He SM, Li WF, Zhang CL, Shi XD, Liu Y, Du HB,* Ge Y*. Effect of different cultivation patterns on *Amomum villosum* yield and quality parameters, rhizosphere soil properties, and rhizosphere soil microbes. *Horticulturae*, 2023, 9, 306. (共同通讯作者)

◆Ge Y, Zhang FY, Xie C, Qu P, Jiang KL, Du HB, Zhao M, Lu YF, Wang BT, Shi XD, Li XJ, Zhang CL*. Effects of different altitudes on *Coffea arabica* rhizospheric soil chemical properties and soil microbiota. *Agronomy*, 2023, 13, 471. (第一作者)

◆Wang BT, Lu YF, Li WF, He SM, Lin R, Qu P, Chen NM, Zhang FY, Zhao M, Shi XD, Liu Y, Du HB*, Ge Y*. Effects of the continuous cropping of *Amomum villosum* on rhizosphere soil physicochemical properties, enzyme activities, and

microbial communities. *Agronomy*, 2022,12,2548. (共同通讯作者).

◆Ge Y, AL-Huqail AA, Zhou ZX, Ali EF, Ghoneim AM, Eissa M, El-Sharkawy MS, Ding ZL*. Plant growth stimulating bacteria and filter mud cake enhance soil quality and productivity of mango (*Mangifera indica* L.). *Journal of Soil Science and Plant Nutrition*, 2022, 22, 3068-3080. (第一作者)

◆ Ge Y*, Zang XP, Yang Y, Wang T, Ma WH*. In-depth analysis of potential PaAP2/ERF transcription factor related to fatty acid accumulation in avocado (*Persea americana* Mill.) and functional characterization of two PaAP2/ERF genes in transgenic tomato. *Plant Physiology and Biochemistry*, 2021, 158(8), 308-320. (第一兼共同通讯作者)

◆ Ge Y*, Dong XS, Liu YZ, Yang Y, Zhan RL*. Molecular and biochemical analyses of avocado (*Persea americana*) reveal differences in the oil accumulation pattern between the mesocarp and seed during the fruit developmental period. *Scientia Horticulturae*, 2021, 276(1), 109717. (第一兼共同通讯作者)

◆Ge Y, Cheng ZH, Si XY, Ma WH, Tan L, Zang XP, Wu B, Xu ZN, Wang N, Zhou ZX, Lin XE, Dong XS*, Zhan RL*. Transcriptome profiling provides insight into the genes in carotenoid biosynthesis during the mesocarp and seed developmental stages of avocado (*Persea americana*). *International Journal of Molecular Science*, 2019, 20(17): 4117. (第一作者)

◆Ge Y, Tan L, Wu B, Wang T, Zhang T, Chen H, Zou M, Ma F, Xu Z, Zhan RL*. Transcriptome sequencing of different avocado ecotypes: de novo transcriptome assembly, annotation, identification and validation of EST-SSR markers. *Forests*, 2019, 10, 411. (第一作者)

◆Ge Y*, Zhang T, Wu B, Tan L, Ma FN, Zou MH, Chen HH, Pei JL, Liu YZ, Chen ZH, Wang T*. Genome-wide assessment of avocado germplasm determined from specific length amplified fragment sequencing and transcriptomes: Population structure, genetic diversity, identification, and application of race-specific markers. *Genes*, 2019, 10: 215. (第一兼共同通讯作者)

◆Wang Z[†], Ge Y[†], Jing J, Han XL, Piao ZY*. Integrated genetic linkage map based on UGMS and gSSR markers in *Brassica Rapa*. *Scientia Horticulturae*, 2014, 179, 293-300. (共同第一作者)

◆Liu C[†], Ge Y[†], Wang DJ, Li X, Yang XX, Cui CS, Qu SP*. Morphological and molecular diversity in a germplasm collection of seed pumpkin. *Scientia Horticulturae*, 2013, 154, 8-16. (共同第一作者)

◆Ge Y, Wang T, Wang N, Wang Z, Liang C, Ramchiary N, Choi S, Lim YP, Piao ZY*. Genetic mapping and localization of quantitative trait loci for chlorophyll content in Chinese cabbage (*Brassica rapa* ssp. *pekinensis*). *Scientia Horticulturae*, 2012, 147, 42-48. (第一作者)

◆Ge Y[†], Ramchiary N[†], Wang T, Liang C, Wang N, Wang Z, Choi SR, Lim YP, Piao ZY. Development and linkage mapping of unigene-derived microsatellite markers in *Brassica rapa* L. *Breeding Science*, 2011, 61, 160-167. (第一作者)

■ 教材及专著

无

■ 专利及标准

◆葛宇；司雄元；马蔚红；熊科胜；王慧晴；臧小平；檀华蓉；徐冠华；殷长玉；孙少春.一种油梨种子皂液及肥皂. 2020-06-05, CN107603781B. (发明)